

## Моделирование популяционной структуры разных видов промысловых рыб

Научный руководитель – Расторгуев Сергей Михайлович

*Чистяков Андрей Павлович*

*Студент (магистр)*

Московский физико-технический институт, Москва, Россия

*E-mail: apvtch@gmail.com*

При помощи современного программного обеспечения, например программного пакета Legofit, можно предсказывать историю развития популяций на основе известных генетических данных - строить и проверять модели взаимосвязей популяций, находить предков и потомков. Legofit также предоставляет возможность добавить в модель примешивание генов из одной популяции в другую. На основе этого можно строить достоверные гипотезы исторического развития конкретных популяций.

В проведенном исследовании было осуществлено моделирование популяционной структуры различных видов промысловых рыб при помощи программного пакета legofit. При этом использовались данные ddRAD-геномного секвенирования. Были определены популяционные характеристики и межпопуляционная дифференциация для выбранных видов промысловых рыб. Результаты могут иметь практическое применение.

### Источники и литература

- 1) Rogers A. R. Legofit: estimating population history from genetic data // BMC Bioinformatics Vol. 20. 2019. № 526.