Анализ геномного контекста APOBEC-индуцированных мутаций в геномах злокачественных опухолей человека

Научный руководитель - Казанов Марат Джамалудинович

Денисова Александра Андреевна

Студент (специалист)

Московский государственный университет имени М.В.Ломоносова, Факультет биоинженерии и биоинформатики, Москва, Россия *E-mail: savouriess2112@qmail.com*

Цитидин дезаминазы семейства APOBEC, являясь компонентом врожденной иммунной системы человека, играют важную роль в защите организма от вирусов и мобильных генетических элементов. Дезаминирование цитозина на однонитевой ДНК ферментами APOBEC в контексте мотива ТС может приводить к его замене на тимин или гуанин. Такие паттерны замен были недавно обнаружены в геномах некоторых типов злокачественных опухолей, что указывает на мутагенное воздействие цитидин дезаминаз семейства APOBEC. Анализ распределения мутаций вдоль генома с использованием мутационной подписи ТС показывает необычное распределение APOBEC-индуцированных мутаций, а именно большую плотность мутаций в активно транскрибируемой части генома. В данном исследовании мы сократили набор мутационных данных отобрав для анализа только образцы с высокой активностью APOBEC-индуцированного мутагенеза. В таком случае, мутации в рассматриваемых образцах в мотиве ТС с гораздо большей вероятностью индуцированы APOBEC-мутагенезом.

Используя данный подход, позволяющий более точно изучить геномных контекст APOBEC-индуцированных мутаций, мы рассмотрели корреляцию позиций мутаций с позициями различных элементов генома, а именно с генами, промоторами, энхансерами, транспозонами и неканоническими структурами ДНК. Нам удалось подтвердить полученные ранее данные о характерной для мутагенеза APOBEC, но не для других типов мутагенеза, повышенной представленности в окрестности генов и пониженной - в большинстве неканонических структур. Кроме того было найдено, что вблизи и внутри промоторов уровень APOBEC мутагенеза значительно повышен относительно мутаций, находящихся удаленно от данных областей. Результат сохранялся при исключении промоторов, попадающих в участки СрG-островков. Перепредставленность APOBEC-индуцированных мутаций в окрестности промоторов позволяет предположить влияние APOBEC-мутагена на экспрессию генов.